

Ingénieur bioinformaticien spécialisé dans le développement d'outils innovants pour le diagnostic

Poste d'Ingénieur bioinformaticien spécialisé dans le développement d'outils innovants pour le diagnostic à l'Institut Curie

(contrat COD d'une durée minimale de 18 mois et maximale de 36 mois)

Contexte

Riche d'une forte culture interdisciplinaire, l'Institut Curie est l'un des plus importants centres européens de lutte contre le cancer. Il comporte un centre de recherche et un hôpital spécialisé dans le traitement des cancers, couvrant un champ de compétences allant de la recherche fondamentale sur la cellule normale et tumorale jusqu'à la recherche clinique et les soins aux patients. L'institut Curie est situé au centre de Paris, dans un riche environnement scientifique et culturel.

L'utilisation de la génomique dans la pratique clinique dans le domaine de la cancérologie est en plein essor. Les contraintes imposées par le soin supposent une organisation adaptée pour délivrer en temps réel des compte-rendus de diagnostic clinique obtenus sur la base de profilages moléculaires à haut-débit, en particulier à partir de technologies de séquençage. Les évolutions de la technologie étant rapides, les outils doivent en permanence s'adapter. Maintenir un savoir-faire au niveau de l'état de l'art est un enjeu majeur pour que les équipes de diagnostic disposent d'outils novateurs apportant une plus-value pour les besoins de la médecine de précision. Un travail de recherche et développement s'impose donc pour permettre à l'Institut Curie de proposer de nouveaux outils pour le bénéfice du patient.

Missions

L'ingénieur sera rattaché à la plateforme de bioinformatique de l'Institut Curie et travaillera en étroite collaboration avec les équipes de diagnostic clinique et les bioinformaticiens impliqués dans l'exploitation des pipelines diagnostiques. Il sera chargé de réaliser les développements et tests de nouveaux outils publiés. Ce travail devra être mené dans le cadre de projets pilote définis comme essentiels par les généticiens et biologistes. L'objectif est que les développements aboutissent à un prototype qui pourra faire l'objet d'une industrialisation pour permettre à l'équipe de bioinformatique clinique d'exploiter les nouvelles méthodes développées.

Activités

- Développement méthodologique pour la médecine de précision et l'activité de diagnostic clinique
- Recueil les besoins des biologistes, cliniciens et généticiens
- Implémentation sous forme de packages ou logiciel les méthodes développées
- Test et validation des résultats avec les différents partenaires impliqués dans le projet
- Transfert de compétences auprès du bioinformaticien spécialisé dans l'intégration et l'industrialisation d'outils
- Transfert de compétence auprès des personnes en charge de l'exploitation de la méthode

- Veille technologique
- Formation et information auprès des utilisateurs

Compétences requises

- Excellente connaissance des outils d'analyse de données de séquençage à haut-débit
- Biostatistiques
- Scripting (python, bash)
- Unix
- Des connaissances de bases en génétique humaines seraient un plus

Savoir-faire opérationnels

- Gestion de projets ;
- Travail en équipe, avec rigueur et méthode ;
- Hiérarchisation des priorités, gestion des situations d'urgence ;
- Excellentes qualités organisationnelles, rédactionnelles, et relationnelles avec les utilisateurs ;

Compétences linguistiques

ANGLAIS : Maîtrise de l'anglais à l'oral et à l'écrit.

Profil

BAC+5 (Ecole d'ingénieur ou diplôme universitaire équivalent), avec au moins 3 ans d'expérience dans le traitement des données de séquençage à haut-débit

Candidature

Pour postuler à ce poste, merci de nous faire parvenir une lettre de motivation, un CV, des copies de vos principales productions scientifiques ainsi que trois référents à l'adresse bcsb83@curie.fr.